Řešení cvičení 2

```
# Naimportujte data
doubs.spe <- read.csv
('http://www.davidzeleny.net/anadat-r/data-download/DoubsSpe.csv', row.names = 1)
doubs.spa <- read.csv
('http://www.davidzeleny.net/anadat-r/data-download/DoubsSpa.csv', row.names = 1)

# odstraňte prázdný vzorek z obou datových matic
doubs.spe <- doubs.spe[-8,]
doubs.spa <- doubs.spa[-8,]

# vypočtěte hierarchickou klastrovou analýzu
eucl.ward <- hclust (d = dist (doubs.spe), method = 'ward')

# dendrogram s obdélníky
plot (eucl.ward)
rect.hclust (eucl.ward, k = 4, border = 1:4)

# vypočtěte nehierarchickou klastrovou analýzu
library (vegan)  # tato knihovna je potřeba pro použití funkce vegdist
bray.kmeans <- kmeans (vegdist (doubs.spe), centers = 4)

# prostorové rozmístění vzorků se zobrazením výsledků hierarchické klastrové
analýzy
eucl.ward.cluster <- cutree (eucl.ward, k = 4)
plot (y ~ x, data = doubs.spa, pch = eucl.ward.cluster, col = eucl.ward.cluster,
type = 'b', main = 'Euclidean distance - Ward method')

# prostorové rozmístění vzorků se zobrazením výsledku K-means
plot (y ~ x, data = doubs.spa, pch = bray.kmeans$cluster, col =
bray.kmeans$cluster, type = 'b', main = 'Bray-Curtis distance - K means method')
```

From:
https://anadat-r.davidzeleny.net/ - **Analysis of community ecology data in R**

Permanent link:
https://anadat-r.davidzeleny.net/doku.php/cs:classification:solution_ex2

Last update: **2017/10/11 20:36**